

PCT ORGANISATION MONI	DIALE I Bureau	DE LA PROPRIETE INTELLECTUELLE u international						
DEMANDE INTERNATIONALE PUBLIEE EN VERT	ru du	TRAITE DE COOPERATION EN MATIERE DE BREVETS (PCT)						
(51) Classification internationale des brevets <sup>6</sup> :		(11) Numéro de publication internationale: WO 99/65947						
C07K 16/18, A61K 39/395, C12N 5/20, 15/06, C12P 21/08, G01N 33/577, 33/574	A2	(43) Date de publication internationale: 23 décembre 1999 (23.12.99)						
(21) Numéro de la demande internationale: PCT/FR  (22) Date de dépôt international: 17 juin 1999 (  (30) Données relatives à la priorité: 98/07617 17 juin 1998 (17.06.98)  (71) Déposant (pour tous les Etats désignés sa RHONE-POULENC RORER S.A. [FR/FR]; enue Raymond Aron, F-92160 Antony (FR).  (72) Inventeurs; et  (75) Inventeurs/Déposants (US seulement): PARKER, [FR/FR]; 27, rue de la Fonte des Godets, F-9216 (FR). KENIGSBERG, Mireille [FR/FR]; 69, r Garenne, F-91230 Montgeron (FR). DUCHESN [FR/FR]; 71, rue du Général de Larminat,	Fabient O Antor ue de NE, Ma F-943	CZ, GĎ, GE, HR, HU, IĎ, IĽ, IÑ, IS, JP, KP, KR, LC, LK, LR, LT, LV, MG, MK, MN, MX, NO, NZ, PL, RO, RU, SG, SI, SK, SL, TR, TT, UA, US, UZ, VN, YU, ZA, brevet ARIPO (GH, GM, KE, LS, MW, SD, SL, SZ, UG, ZW), brevet eurasien (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), brevet européen (AT, BE, CH, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE), brevet OAPI (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).  Publiée  Sans rapport de recherche internationale, sera republiée dès réception de ce rapport.						
Sucy-en-Brie (FR). BARLAT, Isabelle [FR/FR] du 8 Mai 1945, F-94510 La-Queu-en-Brie (FR).  (74) Mandataire: DERNONCOUR, Roxane; Rhone Rorer S.A., Direction Brevets, 20, avenue Raymo	e-Poule	nc						
F-92165 Antony Cedex (FR).								

- (54) Title: MONOCLONAL ANTIBODIES DIRECTED AGAINST THE G3BP PROTEIN, AND USES
- (54) Titre: ANTICORPS MONOCLONAUX DIRIGES CONTRE LA PROTEINE G3BP, ET LEURS UTILISATIONS
- (57) Abstract

The invention concerns monoclonal antibodies directed against the G3BP protein and cell lines producing them. The invention also concerns the use of said antibodies or their derivatives for obtaining medicines and diagnostic reagents.

(57) Abrégé

La présente invention concerne des anticorps monoclonaux dirigés contre la protéine G3BP ainsi que les lignées cellulaires les produisant. L'invention concerne également l'utilisation de ces anticorps ou de leurs dérivés pour l'obtention de médicaments et de réactifs de diagnostique.

#### UNIQUEMENT A TITRE D'INFORMATION

Codes utilisés pour identifier les Etats parties au PCT, sur les pages de couverture des brochures publiant des demandes internationales en vertu du PCT.

	AL	Albanie	ES	Espagne	LS	Lesotho	SI	Slovénie
	AM	Arménie	FI	Finlande	LT	Lituanie	SK	Slovaquie
	AT	Autriche	FR	France	LU	Luxembourg	SN	Sénégal
	ΑU	Australie	GA	Gabon	LV	Lettonie	SZ	Swaziland
	AZ	Azerbaïdjan	GB	Royaume-Uni	MC	Monaco	TD	Tchad
	BA	Bosnie-Herzégovine	GE	Géorgie	MD	République de Moldova	TG	Togo
	BB	Barbade	GH	Ghana	MG	Madagascar	TJ	Tadjikistan
	BE	Belgique	GN	Guinée	MK	Ex-République yougoslave	TM	Turkménistan
	BF	Burkina Faso	GR	Grèce		de Macédoine	TR	Turquie
	BG	Bulgarie	HU	Hongrie	ML	Mali	TT	Trinité-et-Tobago
	BJ	Bénin	IE	Irlande	MN	Mongolie	UA	Ukraine
	BR	Brésil	IL	Israël	MR	Mauritanie	UG	Ouganda
	BY	Bélarus	IS	Islande	MW	Malawi	US	Etats-Unis d'Amérique
	CA	Canada	IT	Italie	MX	Mexique	UZ	Ouzbékistan
	CF	République centrafricaine	JP	Japon	NE	Niger	VN	Viet Nam
	CG	Congo	KE	Kenya	NL	Pays-Bas	YU	Yougoslavie
	CH	Suisse	KG	Kirghizistan	NO	Norvège	$\mathbf{z}\mathbf{w}$	Zimbabwe
	CI	Côte d'Ivoire	KP	République populaire	NZ	Nouvelle-Zélande		
	CM	Cameroun		démocratique de Corée	PL	Pologne		
	CN	Chine	KR	République de Corée	PT	Portugal		
	CU	Cuba	KZ	Kazakstan	RO	Roumanie		
	CZ	République tchèque	LC	Sainte-Lucie	RU	Fédération de Russie		
	DE	Allemagne	LI	Liechtenstein	SD	Soudan		
	DK	Danemark	LK	Sri Lanka	SE	Suède		
	EE	Estonie	LR	Libéria	SG	Singapour		
ı								

1

# ANTICORPS MONOCLONAUX DIRIGES CONTRE LA PROTEINE 5 G3BP, ET LEURS UTILISATIONS

La présente invention concerne des anticorps monoclonaux dirigés contre la protéine G3BP ainsi que les lignées cellulaires les produisant. L'invention concerne également l'utilisation de ces anticorps ou de leurs dérivés pour l'obtention de médicaments et de réactifs de diagnostique.

10

15

20

25

Les produits des gènes ras, généralement désignés protéines p21Ras, jouent un rôle clé dans le contrôle de la division cellulaire chez tous les organismes eucaryotes où ils ont été recherchés. Certaines modifications spécifiques de ces protéines leur font perdre leur contrôle normal et les conduisent à devenir oncogéniques. Ainsi, un grand nombre de tumeurs humaines ont été associées à la présence de gènes ras modifiés. De même, une surexpression des protéines p21Ras peut conduire à un dérèglement de la prolifération cellulaire. Globalement, les protéines p21Ras sont impliquées dans 30% des cancers humains.

La compréhension du rôle exact de ces protéines p21Ras constitue donc un des objectifs cibles de la recherche dans le domaine de l'oncologie.

Le modèle dont on dispose actuellement pour expliquer le fonctionnement des protéines p21Ras repose sur des analogies qu'elles partagent avec les protéines G de transduction. Il existe dans les cellules un équilibre entre les protéines p21 actives, liées à du GTP et les formes inactives, ayant fixé du GDP. Dans une cellule quiescente, où les protéines Ras ne sont pas sollicitées, la majorité d'entre elles sont sous forme GDP. Lorsque la cellule est stimulée, le facteur d'échange des nucléotides,

2

GEF, devient plus actif et facilite l'évacuation du GDP et son remplacement par du GTP. La protéine adopte alors une conformation active qui lui permet de reconnaître et de stimuler son effecteur, la protéine GAP "GTPase activating protein". Le complexe Ras-GTP-GAP interagit vraisemblablement à son tour avec une ou d'autres protéine(s) permettant ainsi la transmission du signal qui entraîne une réponse biologique de la cellule. L'association de Ras-GTP avec GAP déclenche simultanément l'hydrolyse du GTP et le retour de la protéine Ras vers la forme inactive, GDP.

5

15

20

25

Dans le cas des protéines p21Ras oncogènes, la mutation qu'elles portent empêche le retour à l'état inactif. L'équilibre est dans ce dernier cas, déplacé vers la forme active de Ras.

Cet équilibre complexe entre les formes active et inactive des p21Ras est contrôlé à la fois par des facteurs inhérents aux propriétés biochimiques des protéines Ras (affinité relative pour le GDP et le GTP, vitesse d'échange des nucléotides ...) et des facteurs externes modulant leur activité comme notamment la protéine GAP.

La protéine GAP est une protéine cytosolique présente chez tous les organismes eucaryotes qui possède donc la faculté d'accélérer fortement l'hydrolyse du GTP, lié à la protéine p21 normale (Trahey et Mc Cormick 1987). Elle possède deux domaines assurant des fonctions distinctes. Son extrémité carboxy-terminale porte l'activité catalytique qui fixe les protéines Ras et augmente leur activité GTPase. Sur son autre extrémité, en aval de la partie amino-terminale, se trouve une juxtaposition de domaines SH2 et SH3 qui sont susceptibles de participer à des interactions avec d'autres protéines.

La demanderesse a déjà identifié une protéine supplémentaire dans la cascade de la signalisation Ras-dépendante. Ainsi, la demande WO96/16169 décrit l'identification, le clonage, le séquençage et la caractérisation d'une protéine capable de lier le domaine SH3 de GAP, désignée G3BP ("GAP-SH3 Binding Protein"). Cette demande montre en particulier que G3BP est un effecteur de GAP, c'est-à-dire un

partenaire intervenant en aval dans la voie de signalisation Ras-dépendante. Ainsi, l'article de Parker et al (Mol. Cell. Biol. 16 (1996) 2561) décrit la séquence de cette protéine, sa capacité à lier GAP, etc. Cette protéine constitue une nouvelle cible majeure dans la mise au point d'approches thérapeutiques anti-cancéreuses.

La protéine G3BP est une protéine cytosolique de 68 kDa exprimée de façon ubiquitaire. La séquence de la protéine G3BP et du gène correspondant sont présentées dans les SEQ ID n°1 et SEQ ID n° 2. Cette protéine de 466 acides aminés appartient à la famille des hnRNP (heterogeneous nuclear RiboNucleoproteins) et contient plusieurs domaines caractéristiques des protéines qui se lient à l'ARN:

- un domaine RRM (aa 342-385) avec les domaines RNP2 (aa 342-347) et
   RNP1 (aa 378 à 385)
- un domaine riche en acides aminés Arginine, Glycine (aa 429 à 461)
- un domaine auxiliaire acide (aa 144 à 221)

5

10

20

25

La demanderesse s'est maintenant intéressée au mécanisme d'action de la protéine G3BP. Dans cette optique, la demanderesse a obtenu différents anticorps dirigés contre différent domaines de la protéine G3BP afin d'antagoniser l'activité de G3BP ou de constituer des effecteurs de G3BP.

La présente invention repose d'une part sur la mise en évidence d'une surexpression de la protéine G3BP dans les cellules tumorales et dans les tumeurs humaines (adenocarcinome du colon, et tumeur du sein) et d'autre part sur la découverte surprenante que certains anticorps dirigés contre la protéine G3BP sont capables d'induire l'apoptose dans les cellules tumorales humaines. De manière inattendue, il a été constaté que ces anticorps induisent l'apoptose dans les cellules tumorales dans lesquelles la protéine G3BP est surexprimée mais se révèlent non toxiques dans les cellules humaines normales, où G3BP est faiblement exprimée.

4

Un premier objet de l'invention concerne des anticorps monoclonaux dirigés contre la protéine G3BP et capables d'induire l'apoptose dans différents types de cellules tumorales.

Plus particulièrement, l'invention a pour objet des anticorps monoclonaux capables de reconnaître un épitope situé dans la partie N-terminale de la protéine G3BP. De manière avantageuse, il s'agit d'un épitope compris entre les acides aminés situés aux positions 1 et 144 de la protéine G3BP et de préférence il s'agit d'un épitope compris entre les acides aminés situés aux positions 1 à 72 de la protéine G3BP. De préférence encore, il s'agit d'un épitope compris entre les acides aminés situés aux positions 22 à 55 de la protéine G3BP, et plus préférentiellement encore d'un épitope constitué par les acides aminés situés aux positions 22-34.

5

10

15

20

25

Dans un mode particulièrement avantageux, la présente invention concerne des anticorps désignés par l'appellation Mab 1F1 et sécrétés par la lignée d'hybridome G3B 1F1 1D1 déposée le 9 juin 1998 auprès de la C.N.C.M. sous le numéro I-2038.

L'invention englobe également les anticorps dérivés des anticorps monoclonaux définis ci-avant. Au sens de la présente invention, on entend par anticorps dérivés toute molécule qui comprend l'idiotype des anticorps monoclonaux selon l'invention et notamment les anticorps chimériques, les anticorps simple chaîne et les fragments Fab. De tels anticorps chimériques peuvent être obtenus selon les techniques décrites par Morrison et al., J. Bacteriol. 159: 870 (1984); Neberger et al., Nature 312:604-608 (1984); Takeda et al., Nature 314:452-454 (1985), incorporées à la présente par référence. Les fragments Fab qui contiennent l'idiotype des anticorps selon l'invention peuvent être générés par toute technique connue de l'homme du métier. Par exemple de tels fragments comportent de manière non limitative : le fragment F(ab')<sub>2</sub>, fragment qui peut être produit par digestion par la pepsine de l'anticorps; les fragments Fab' qui peuvent être obtenus par réduction des ponts

5

disulfure du fragment  $F(ab)_2$ , et les fragments Fab qui peuvent être produits par traitement de l'anticorps avec la papaïne et un agent réducteur.

L'invention a également pour objet des anticorps simple chaîne ScFv dérivés des anticorps monoclonaux définis ci-avant. De tel anticorps simple chaîne peuvent être obtenus selon les techniques décrites dans les brevet US 4,946,778, US 5,132,405 et US 5,476,786.

5

10

15

20

L'invention concerne également une séquence d'acides nucléiques comprenant un gène codant pour un anticorps simple chaîne dérivé des anticorps monoclonaux décrits ci-avant. L'obtention de telles séquences et leur utilisation pour l'expression in vivo d'anticorps a été décrite dans la demande WO 94/29446 incorporée par référence à la présente.

L'invention a également pour objet des vecteurs viraux ou plasmidiques contenant une séquence d'acide nucléique codant pour un anticorps simple chaîne dérivé des anticorps monoclonaux décrits ci-avant. Plus particulièrement, les vecteurs de l'invention sont d'origine virale, tels que les rétrovirus, les adénovirus, les virus adéno-associés, le virus de l'herpès, le virus de la vaccine, le virus HSV, etc.

L'invention concerne également l'utilisation de séquences d'acides nucléiques codant pour ces ScFv ou de vecteurs les incluant pour la préparation de compositions pharmaceutiques destinées au traitement chirurgical ou thérapeutique du corps humain ou animal. Elle concerne aussi toute composition pharmaceutique comprenant un vecteurs, notamment viral, ou une séquence d'acides nucléiques tels que définis ci-avant.

L'invention a également pour objet les lignées d'hybridomes susceptibles de sécréter les anticorps monoclonaux selon l'invention.

L'invention a plus particulièrement pour objet la lignée d'hybridome G3B 1F1 1D1 sécrétant l'anticorps Mab 1F1 déposée le 9 juin 1998 auprès de la Collection Nationale des Cultures de Microorganismes (C.N.C.M.) sous le numéro I-2038.

6

L'invention concerne également un procédé de production d'anticorps monoclonaux capables d'induire l'apoptose dans différentes lignées tumorales comprenant (1) la fusion de cellules spléniques d'un animal immunisé à l'aide de la protéine G3BP ou d'un fragment comprenant au moins une partie du domaine N-terminal (aa 1-144), avec des cellules myelomateuses dans des conditions permettant la formation d'hybridomes ; (2), la détection et l'isolement de ceux desdits hybridomes qui sécrètent des anticorps monoclonaux capables d'induire l'apoptose dans différentes lignées tumorales.

5

10

15

20

25

L'invention concerne également l'utilisation des anticorps définis ci-avant pour l'obtention de médicaments. L'invention concerne plus particulièrement l'utilisation desdits anticorps pour l'obtention d'un médicament destinés au traitement ou à la prévention des désordres hyperprolifératifs.

L'invention a également pour objet des compositions pharmaceutiques comprenant une quantité thérapeutiquement efficace des anticorps selon l'invention, éventuellement mélangés à un support pharmaceutiquement acceptable, ladite quantité étant thérapeutiquement efficace pour induire l'apopotose dans des cellules tumorales.

Les anticorps selon l'invention peuvent également être utilisés comme réactif de diagnostic pour identifier ou doser la protéine G3BP. En effet, il a été constaté que la protéine G3BP est surexprimée dans les cellules tumorales et que cette surexpression constitue un marqueur dans les phénomènes de prolifération cellulaire. Ces anticorps sont donc particulièrement utiles pour diagnostiquer des maladies hyperprolifératives entraînant une surexpression de la protéine G3BP.

L'invention a donc également pour objet l'utilisation des anticorps monoclonaux définis ci-avant comme réactif de diagnostique ainsi qu'un kit de diagnostic immunologique comprenant lesdits anticorps monoclonaux.

5

10

15

Les anticorps peuvent être couplés à des marqueurs chromogènes, fluorescents, biotinylés, radioactifs ou autres ... Les anticorps peuvent être utilisés dans des méthodes d'immunomarquage en immunohistochimie, en cytométrie de flux, pour des dosages radioimmunologiques (RIA) ou immunoenzymatiques (ELISA) et dans tout type de kits de diagnostic connu.

Les anticorps selon l'invention ont également permis de réaliser une étude fonctionnelle de la protéine G3BP. En particulier, cette étude fonctionnelle a conduit à l'identification de nouveaux peptides dérivés de la protéine G3BP et qui présentent une activité apoptotique. A cet égard, l'invention a également pour objet de nouveaux peptides dérivés de la protéine G3BP et capable d'induire l'apoptose. De préférence, les peptides selon l'invention comprennent le fragment N-terminal, et de préférence encore ces polypeptides comprennent au moins le domaine correspondant aux 14 premiers acides aminés de la protéine G3BP.

Outre les dispositions qui précèdent, la présente invention comprend également d'autres caractéristiques et avantages qui ressortiront des exemples qui vont suivre, et qui doivent être considérés comme illustrant l'invention sans en limiter la portée

#### LEGENDES DES FIGURES

- Figure 1 : Identification par Western Blot des différents domaines de G3BP reconnus par l'anticorps Mab 1F1
  - Figure 2 a et 2 b : Comparaison du niveau d'expression de la protéine G3BP dans différentes lignées cellulaires.
- Figure 3 : Effet de la microinjection d'anticorps Mab 1F1 dans les cellules 45 HCT116.

Figure 4 : Comparaison de séquences entre les protéines humaines G3BP et G3BP2. La comparaison des séquences N-terminales fait apparaître plusieurs différences mises en évidence par les trémas.

#### MATERIELS ET METHODES

#### 5 <u>Lignées cellulaires utilisées</u>

20

HCT116: cellules épithéliales issues de carcinome de colon humain présentant un gène *Ki-ras* muté et une mutation du gène suppresseur de tumeur DCC. Milieu de culture requis : DMEM, 10% Serum de veau foetal, 1% Penicilline/ Streptomycine, 1% Glutamine.

- Hke-3 et HK2-6 : cellules HCT116 modifiées par délétion du gène *Ki-ras* et qui, de ce fait ont perdu leur pouvoir tumorigène. (ref: Shirasawa,...Sasazuki. (1993) Science 260, 85-88). Milieu de culture requis : DMEM, 10% Serum de veau foetal, 400μg/ml Geneticine, 1% Penicilline/ Streptomycine, 1% Glutamine.
- H460 : cellules épithéliales issues de carcinome pulmonaire non à petites cellules humain présentant un gène *Ki-ras* muté. Milieu de culture requis : DMEM, 10% Sérum de veau foetal, 1% Penicilline/ Streptomycine, 1% Glutamine.
  - H1299 : provenance ATCC. Cellules épithéliales issues de carcinome pulmonaire humain présentant un gène *N-ras* muté et une délétion du gène p53. Milieu de culture requis : DMEM, 10% Serum de veau foetal, 1% Penicilline/ Streptomycine, 1% Glutamine.
  - HeLa : cellules épithéliales issues de carcinome humain du col de l'utérus ne présentant pas de mutation des gènes *ras*. Milieu de culture requis : DMEM, 10% Sérum de veau foetal, 1% Pénicilline/ Streptomycine, 1% Glutamine.
- HT-29 : provenance ATCC. Cellules épithéliales issues de carcinome de colon humain présentant une mutation du gène p53 mais pas de mutations des gènes *ras*.

5

15

Milieu de culture requis : DMEM, 10% Sérum de veau foetal, 1% Pénicilline/ Streptomycine, 1% Glutamine.

- DLD-1: provenance ATCC. Cellules épithéliales issues de carcinome de colon humain présentant une mutation du gène *Ki-ras* et du gène p53. Milieu de culture requis: DMEM, 10% Sérum de veau foetal, 1% Pénicilline/ Streptomycine, 1% Glutamine.
- T47 : provenance ATCC. Cellules isolées à partir d'effusion pleurale d'une patiente atteinte de carcinome mammaire. Milieu de culture requis : RPMI, 10% sérum de veau foetal, 1% Pénicilline/ Streptomycine, 1% Glutamine.
- BT20 : Cellules issues de carcinome mammaire humain. Milieu de culture requis : RPMI, 10% sérum de veau foetal, 1% Pénicilline/ Streptomycine, 1% Glutamine.
  - MCF-7 : Cellules issues de carcinome mammaire humain. Milieu de culture requis : RPMI, 10% sérum de veau foetal, 1% Pénicilline/ Streptomycine, 1% Glutamine.
    - T24 : provenance ATCC. Cellules issues de carcinome humain de la vessie, présentant une mutation du gène *Ha-ras*. Milieu de culture requis : RPMI, 10% sérum de veau foetal, 1% Pénicilline/ Streptomycine, 1% Glutamine.
- NHDF: provenance Boerhinger Ingelheim. Normal Human Dermal 20 Fibroblasts (adult) en culture primaire ne présentant pas de gènes mutés. Milieu requis du fournisseur.

#### **EXEMPLES**

#### Exemple 1: Obtention des anticorps monoclonaux

#### 1.1 - Production de la protéine G3BP

5

10

15

20

25

Les cultures de cellules SF9 ont été réalisées selon le protocole décrit dans Parker et al (Mol. Cell. Biol. 16 (1996) 2561). Les cellules sont lysées en présence de tampon HNTG (50 mM d'Hépès, pH 7,5, 150 mM de NaCl, 1 % de Triton X100, 10 % de Glycérol, 1mM de %gC12, 1mM d'EGTA; en présence d'inhibiteurs de phosphatases (1mM Na3VO4, 10mM de Na4P2O7, 10 mM de NaF) et d'inhibiteurs de protéases (1µg/ml de leupeptine, 1 µg/ml d'inhibiteur de trypsine, 1 µg/ml de pepstatine A, 2 µg/ml d'aprotinine, 10 µg/ml de benzamidine, 1 mM de phénylméthanesulfonyle fluorure, 1 µg/ml d'antipaïne, 1 µg/ml de chymostatine). Le lysat est centrifugé (15,000 g, 15 min.) et dilué 5 fois dans du tampon de lavage HG (50 mM Hepes pH 7.5, glycérol 10 %, 1 mM EGTA, en présence d'inhibiteurs de phosphatases et d'inhibiteurs de protéases). Le lysat est ensuite incubé 12 heures en présence du gel Heparin-Sepharose Fast Flow gel (Pharmacia LKB) à raison de 15 mg de protéines par millilitre de gel, équilibré dans le même tampon (50 mM Hepes, 0.030 M NaCl, 0.2 % Triton X100, glycérol 10 %, MgCl2 1 mM, 1 mM EGTA). Le complexe est transféré dans une colonne K26 Pharmacia. La colonne est lavée avec 10 volumes de tampon d'équilibration (50 ml/heure), puis les protéines sont éluées en tampon NaCl 100 mM puis en tampon NaCl 600 mM. Les fractions contenant l'activité de liaison GAP-SH3 sont rassemblées, diluées 10 fois en tampon HG et chargées sur une colonne d'agarose-polyribouridylic acid AGPOLY(U), (colonne de type 6, 19 cm<sup>2</sup> x 1 cm, Pharmacia) à raison de 1.3 mg de protéines par millilitre de gel. La colonne est pré-équilibrée dans le même tampon avec un débit de 5 ml / cm² h Après lavage en tampon HNG (60 mM NaCl), les protéines contaminantes sont éluées avec 229 ml d'un tampon en gradient linéaire de 0.06 à 0.32 M NaCl, et la protéine G3BP est éluée en présence de NaCl 0.7 M. A l'issue de la chromatographie POLY(U), les fractions contenant la protéine G3BP sont rassemblées, diluée 12 fois en présence de tampon phosphate pH 7.5 + inhibiteurs de protéases) et chargées sur une colonne MonoS HR5/5 1 ml (Pharmacia), pré-équilibrée dans le même tampon contenant 60 mM NaCl, à un débit de 30 ml h-1. Après rinçage de la colonne, les protéines sont éluées avec 40 ml d'un tampon en gradient linéaire de 0.06 à 1 M NaCl. La protéine G3BP est éluée entre 0.15 M et 0.2 M NaCl.

#### 1.2 - Protocole d'immunisation des souris

5

10

15

20

Des souris femelles BALB/c agées de 6 semaines ont reçu une injection intrapéritonéale de 25 µg de G3BP au jour J0 de l'immunisation. Une deuxième injection intrapéritonéale a été faite au jour J14 de l'immunisation puis une troisième et quatrième injections aux jours J45 et J80. Une cinquième injection (10 µg de protéine G3BP) est a été faite par voie intra-veineuse au jour J165 et les splénocytes ont été extraits trois jours plus tard et fusionnés. Les splénocytes ont été fusionnés avec des cellules murines de myélome SP2/O-Ag14 d'une part et X63Ag8/653 d'autre part. Le rapport splénocytes/cellules de myélome est de 5 : 1. L'hybridation lymphocytaire est faite en présence de polyéthylèneglycol PEG pm 1500 (concentration finale 40 %). Il a été préparé 16 plaques de 96 puits en présence de 10.000 macrophages péritonéaux de souris Balb/C par puits. Les quantités de splénocytes utilisées varient entre 2,5 10<sup>4</sup> et 10<sup>5</sup> cellules par puits. Le milieu utilisé contient RPMI 1640 (Biowhittaker et Gibco), 2 mM glutamine, 1 mM sodium pyruvate, HAT, hypoxantine 100 mM, aminoptérine 0.4 μM, thymidine 16 μM, 220 % sérum de veau foetal décomplémenté, pénicilline 100 U/ml, streptomycine 100 μg/ml.

Les premiers clones apparaissent trois jours après la fusion, le milieu est changé sept jours après la fusion, enfin 10 jours après la fusion, 5000 macrophages sont ajoutés par puits. Les puits dans lesquels un seul hybridome a poussé sont identifiés et les surnageants sont prélevés pour le criblage.

Les surnageants d'hybridome issus de la fusion sont criblés par Western Blot.

25 Des extraits cellulaires (50 µg) de cellules ER22 et de cellules HCT116, la protéine G3BP recombinante ainsi qu'une protéine contrôle SAM68 ont été soumis à une électrophorèse sur gel de polyacrylamide à 7,5 % de dodecyl sulfate de sodium (SDS-PAGE) puis transférés sur une membrane de difluorure de polyvinylidène (PVDF)

Millipore Corpo.). La liaison non spécifique est bloquée par 2 % de lait écrémé dans du tampon ECL (20 mM Tris, pH 7.4, 150 mM NaCl, 0.05 % de Tween 20) pendant 2 heures, à température ambiante.

Les membranes sont ensuite incubées avec les différents surnageants dilués au 1/50 ème dans le tampon bloquant pendant une nuit à 4 °C. Après lavage avec le tampon ECL - 0.05 % Tween 20, les protéines liées sont détectées par incubation avec un anticorps anti-souris conjugué à une peroxidase et du réactif chemiluminescent ECL (NEN Life Science Product).

5

15

20

25

Trois hybridomes ont été retenus à l'issue de ce criblage. Il s'agit des hybridomes G3B 1E1, G3B 1F1 1D1 et G3B11H7.

#### Exemple 2 - Identification de l'épitope reconnu par l'anticorps Mab 1F1.

Différents fragments de la protéine G3BP ont été produits dans un système d'expression en cellule d'insectes (SF9) infectées par un baculovirus recombinant selon la technique décrite dans Parker et al (Mol. Cell. Biol. 16 (1996) 2561). Il s'agit des fragments « 1 » (aa 72 - 350), « 2 » (aa 72 - 235), « 3 » (aa 144 - 341), « 4 » (aa 236 - 350), et « 5 » (aa 299 - 466). Des expériences de Western blot ont été réalisées à partir de ces fragments produits en système baculovirus .

#### 2.1 - Détection des protéines par Western Blot

Après élimination du milieu de culture, les cellules en prolifération sont lavées deux fois en tampon phosphate à 4 °C. La lyse est effectuée directement sur les boites de culture en présence de 1 ml de tampon HNTG (HEPES pH 7,5 50 mM, NaCl 150 mM, Triton X-100 1 %, glycerol 10 %, MgCl2 1mM, 1 mM + inhibiteurs de phosphatases (Na<sub>3</sub>VO<sub>4</sub> 1 mM, Na<sub>4</sub> P<sub>2</sub>O<sub>7</sub> 10 mM, NaF 10 mM) + inhibiteurs de protéases (leupeptine 1 μg/ml, inhibiteur de trypsine 1 μg/ml, pepstatine A 1 μg/ml, benzamidine 10 μg/ml, phenylmethylsulfonyl fluoride 1 mM, antipaine 1 μg/ml

5

10

15

20

25

chymostatin 1 µg/ml). Les protéines sont séparées sur gel d'électrophorèse acrylamide Sodium Dodecyl-Sulfate (SDS)-Polyacrylamide (PAGE) de 7,5 % (16 heures, 60 volts) les protéines sont ensuite transférées sur membrane de polyvinylidene difluoride (PVDF) Millipore Corp.) par une méthode de transfert semi-liquide. Le transfert est réalisé à 4 °C, pendant 3 heures, sous tension de 60 volts, dans un tampon de transfert Tris Base 25 mM, Glycine 192 , SDS 0.15 % méthanol 20 %. La membrane est rincée en PBS puis saturée dans du PBS additionné de 0.05% de tween 20 et de 2 % de lait écrémé pendant 2 heures à température ambiante. La membrane est incubée pendant 12 h à 4 °C, dans un tampon ECL (20 mM TRIS, pH 7.4, 150 mM NaCl) + 0.05 % Tween 20 + 2 % lait écrémé, contenant le premier anticorps. L'anticorps MAB 1F1 est dilué au 1/10000 ème. La membrane est ensuite rincée 4 ou 5 fois pendant 10 minutes, à température ambiante dans un tampon ECL + 0.05 % Tween 20. Le second anticorps (anticorps anti-souris) est ensuite ajouté en présence de ECL + 0.05 % Tween 20 pendant 45 minutes à température ambiante. Les anticorps sont couplés à la peroxydase qui permet la révélation des protéines par la technique de l'Enhanced ChemiLuminescence (ECL). La membrane est rincée 4 ou 5 fois dans du tampon PBS + 0.05 % Tween 20, incubée 1 minute dans le réactif ECL. La révélation est effectuée selon les recommandations du fournisseur (NEN Life Science Product).

Les résultats sont présentés sur la figure 1 et montrent que l'anticorps Mab 1F1 permet la détection des fragments « 1 » (aa 72 - 350) et « 2 » (aa 72 - 235). Le fragment « 3 » (aa 144 - 341) central comportant une zone commune au fragment « 2 » n'est pas reconnu. Les fragments « 4 » (aa 236 - 350) et « 5 » (aa 299 - 466) ne sont pas non plus reconnus.

Ces résultats montrent que l'épitope reconnu par l'anticorps Mab 1F1 est localisé dans la région N- terminale de la protéine de G3BP, dans la zone correspondant aux 144 premiers acides aminés et plus particulièrement dans la zone comportant les 100 premiers amino acides situés en amont du domaine acide (aa 144 - 221) de la protéine G3BP.

# Exemple 3 : niveau d'expression de la protéine G3BP dans différentes lignées cellulaires.

Le niveau d'expression de la protéine G3BP a été étudié dans des tumeurs colorectales humaines et dans différentes lignées tumorales.

5

10

20

25

## 3.1 - Niveau d'expression de G3BP dans diférentes lignées cellulaires humaines.

Pour cette expérience, les cellules en culture sont récoltées par scrapping et centrifugées 5 mn à 2000 t/mn pour les collecter en culot. Elles sont alors lysées dans un tampon Hepès 10 mM pH7.2, KCl 140 mM, MgCl2 5 mM, NP40 0.2% et inhibiteurs de protéases pendant 45 mn à 4 °C. Les lysats sont centrifugés à 14 000t/mn pendant 10 mn et les surnageants sont prélevés. Un dosage de protéines est effectué et les surnageants sont dénaturés en tampon de Laemmli 4X et traités 10 mn à 95°C.

L'équivalent de 50 μg de protéines des différents lysats est déposé par puits d'un minigel SDS-PAGE Novex 10% d'acrylamide, 10 puits et 1.5mm d'épaisseur.

Après migration, électrotransfert sur membrane de PVDF, et passivation des membranes en tampon TTBS [TRIS 20 mM pH 7.5, NaCl 150 mM, Tween 20 0.1 %, azide de sodium 0.02 %] contenant 3 % de BSA, les échantillons sont soumis à un Western-blot:

Les membranes sont incubées pendant 2 heures avec l'anticorps Mab 1F1 dilué à 0.2μg/ml dans du tampon TTBS contenant 3% de BSA, elles sont ensuite rincées quatre fois avec du TTBS pendant 10 mn, puis incubées 1 heure avec un anticorps anti-souris marqué à la péroxidase et à nouveau rincées quatre fois avec du TTBS pendant 10 mn. Les membranes sont ensuite révélées avec le kit ECL (chimie luminescence) NEN-Dupont sur film ECL Amersham.

Les résultats sont présentés à la figure 2 a. Le film obtenu montre la surexpression de la protéine G3BP dans toutes les lignées tumorales testées, par rapport à la lignée de fibroblastes normaux NHDF. Le niveau de cette surexpression est variable d'une lignée à l'autre mais n'est pas dépendant de l'état d'activation des gènes *ras* dans ces lignées ; les lignées cellulaires présentant un gène *Ki-ras* muté comme les HCT116, H460 ou DLD-1, expriment plus ou moins fortement la protéine G3BP et les lignées cellulaires ne présentant pas de mutation des gènes *ras* comme les HeLa ou HT29, ont un niveau d'expression de G3BP tout aussi fort et variable.

5

10

20

25

On peut néanmoins constater que les cellules HKe-3 et HK2-6 dans lesquelles le gène *Ki-ras* a été délété, voient le niveau d'expression de G3BP diminuer par rapport aux cellules dont elles sont issues, les HCT116, sans pour autant qu'il y ait extinction de cette expression.

#### Niveau d'expression de G3BP dans les biopsies humaines.

Les prélèvements de tissus sains ou tumoraux ont été fixés sur lame. La solubilisation des échantillons est effectuée par un dépôt de 40 µl de tampon HNTG sur chaque lame au niveau du tissu.Les extraits sont centrifugés à 14000t/min pendant 10 minutes et les surnageants sont prélevés. Les protéines sont dosées et dénaturées par du tampon de Laemmli 4X par un traitement à la chaleur 95 °C pendant 10 minutes.

Des échantillons de 20 à 30 µg de protéines ont été soumis à une électrophorèse sur gel de polyacrylamide à 7,5 % de dodecyl sulfate de sodium (SDS-PAGE) puis transférés sur une membrane de difluorure de polyvinylidène (PVDF Millipore Corpo.). La liaison non spécifique est bloquée par 2 % de lait écrémé dans du tampon ECL (20 mM Tris, pH 7.4, 150 mM NaCl, 0.05 % de Tween 20) pendant 2 heures, à température ambiante.

Les membranes sont ensuite incubées avec l'anticorps Mab 1F1 dilué à 0.2 µg/ml dans le tampon bloquant pendant une nuit à 4 °C. Après lavage avec le tampon

ECL - 0.05 % Tween 20, les protéines liées sont détectées par incubation avec un anticorps anti-souris conjugué à une peroxidase et du réactif chemiluminescent ECL (NEN Life Science Product)

Les résultats présentés sur la figure 2 b montrent que la protéine G3BP est surexprimée dans les adénomes moyennement et bien différenciés.

## Exemple 4 : Effet de la microinjection de l'anticorps Mab 1F1 sur la viabilité des cellules tumorales humaines.

Cet exemple illustre la propriété des anticorps selon l'invention à induire 10 l'apoptose dans différents types de cellules tumorales.

L'anticorps monoclonal Mab 1F1 a été injecté selon le protocole décrit ciaprès. La solution à injecter est dialysée contre du PBS, passée sur filtre 0.45µm UltraFree Millipore et centrifugée (5 mn à 14000 rpm) avant d'être introduite dans le microcapillaire à l'aide d'une pointe effilée « microloader » (Roucaire). Le temps d'injection est réglé de 0,1 à 0,3 seconde et la pression d'injection entre 50 hPa et 150 hPa selon la taille des cellules. Environ 200 cellules ont été injectées par condition.

15

20

25

Les cellules HCT116, H460, H1299, HeLa ou HKe-3 ont été microinjectées par 10 mg/ml d'anticorps monoclonal Mab 1F1 puis filmées et enregistrées par vidéomicroscopie (à 2 images par minute) pendant 3 jours après injection. A la lecture du film, l'évolution des cellules injectées est observable (divisions, morts cellulaires, changements morphologiques) et quantifiable (nombre de cellules se divisant ou mortes par heure). Seules les cellules qui se détachent du support après condensation et fragmentation (événements observables des cellules apoptotiques) sont comptées.

Les résultats obtenus avec l'injection de l'anticorps Mab 1F1 dans les cellules HCT 116 sont reportés dans la figure 3. On constate un pourcentage élevé de mort

cellulaire induite à partir de douze heures après l'injection de l'anticorps Mab 1F1, avec un pic entre 24 et 48 heures.

Des doses différentes d'anticorps Mab 1F1 ont été testées dans les cellules HCT116. De 10 mg/ml à 3 mg/ml, l'effet d'induction de mort cellulaire est équivalent, c'est-à-dire que l'anticorps Mab 1F1 induit la mort cellulaire d'au moins 50% des cellules injectées. A 1 mg/ml d'anticorps, l'effet est fortement diminué.

5

10

15

20

Si les cellules HCT116 sont injectées par une immunoglobuline de souris à la concentration de 10 mg/ml comme contrôle, aucune mort n'est constatée et les cellules injectées continuent à se diviser normalement.

Cet effet toxique de l'anticorps Mab 1F1 dans les cellules HCT116 a été confirmé par l'utilisation de la méthode «TUNEL» en fluorescence, qui permet de détecter spécifiquement les coupures dans l'ADN des cellules entrant en apoptose:

Les cellules sont ensemencées sur des lamelles de verre quadrillées (cellocates-Roucaire) et placées dans des plaques 4 puits. 2 jours après l'ensemencement, les cellules sont injectées sur ces lamelles par l'anticorps Mab 1F1 ou avec une immunoglobuline de souris, comme contrôle, à 10 mg/ml. Après injection, les cellules sont replacées à l'étuve pendant 40h. Elles sont alors fixées à la formaldéhyde 4% pendant 15 mn, perméabilisées 5 mn au triton X100 à 0.2% et rincées plusieurs fois avec du tampon phosphate. On procède alors au double marquage pendant 1h à 37°C avec :

- un anticorps anti-souris marqué au Texas Red dilué au 1/400, qui révélera les cellules injectées,
- kit Boerhinger « In situ cell death detection » qui marquera spécifiquement en vert, les coupures dans l'ADN des cellules apoptotiques.
- Les lamelles sont ensuite montées sur lames de verre en milieu de montage (Vectashield-Biosys).

A l'observation en lumière fluorescente, à l'aide de filtres sélectionnant les différentes couleurs, les cellules injectées d'une part et les cellules en apoptose d'autre part, sont comptabilisées.

On obtient ainsi, dans 3 expériences indépendantes, entre 9 et 18% de cellules

HCT116 mortes par apoptose au temps 40h. Dans les mêmes conditions, on ne constate la mort d'aucune cellule HCT116 injectée par l'immunoglobuline contrôle.

Les expériences d'enregistrement après microinjection de l'anticorps Mab 1F1, ont été reproduites avec les cellules H460, H1299, HeLa et HKe-3 avec des résultats similaires au graphe présenté dans la figure 3 montrant qu'au moins 50% des cellules injectées meurent de 12 à 60h après injection.

10

15

20

Les expériences de marquage « TUNEL » ont été réalisées avec les cellules HCT116 et H460 et ont donné des résultats équivalents (de 9 à 18% des cellules entrant en apoptose 40 heures après injection de l'anticorps).

- Exemple 5 : Effet de la microinjection de l'anticorps Mab 1F1 sur la viabilité et sur la prolifération des fibroblastes humains normaux NHDF
- 5.1 Effet de la microinjection de l'anticorps Mab 1F1 sur la viabilité des fibroblastes humains normaux NHDF.

Les expériences d'enregistrement des cellules NHDF en prolifération microinjectées par l'anticorps Mab 1F1 montrent qu'aucune mort cellulaire n'est constatée dans les 60h après injection et que les cellules continuent à se diviser normalement.

5.2 - Effet de la microinjection de l'anticorps Mab 1F1 sur la prolifération des fibroblastes humains normaux NHDF.

Les cellules normales en culture ont besoin de l'apport en facteurs de croissance. Si elles sont privées de ces facteurs elles entrent dans une phase de « non-prolifération » dite de quiescence où elles ne répliquent plus leur ADN et ne peuvent donc plus incorporer la bromodéoxyuridine, un analogue de la thymidine ajouté dans le milieu de culture, que seules les cellules en prolifération peuvent incorporer dans leur ADN.

Lorsqu'on microinjecte dans des cellules NHDF quiescentes, l'anticorps Mab 1F1 à la concentration de 10 mg/ml, et que l'on remet ces cellules dans un milieu contenant des facteurs de croissance et de la bromodéoxyuridine (BrdU), on constate, après 24h de contact puis fixation et coloration à l'aide d'un anticorps anti-BrdU, une inhibition de 33% de la prolifération cellulaire.

Cette inhibition est calculée en rapportant le pourcentage de cellules injectées par l'anticorps Mab 1F1 et qui ont incorporé la BrdU, au pourcentage de cellules injectées par une immunoblobuline de souris et qui ont incorporé la BrdU (contrôle).

Un autre anticorps monoclonal anti-G3BP (11H7) a été injecté dans les cellules NHDF dans les mêmes conditions.

Anticorps injecté	% d'incorporation BrdU
Immunoglobuline de souris (IgG)	44.7
Mab 1F1	29.7
11H7	30.3

Tableau 1 : effet de l'injection d'anticorps spécifiques de G3BP sur la croissance cellulaire de cellules NHDF

5

10

5

On constate que l'immunoglobuline n'empêche pas la prolifération cellulaire alors que l'anticorps 11H7 a un effet similaire à celui de l'anticorps Mab 1F1, à savoir qu'ils provoquent une inhibition de la prolifération de 32 à 33%.

On attribue cette inhibition au blocage de la protéine G3BP endogène par l'anticorps Mab 1F1 ou 11H7. A cet égard il est intéressant de noter que cet arrêt de prolifération n'est que temporaire dans les cellules normales NHDF et n'entraîne en aucun cas la mort des cellules. En effet, les cellules reprennent leur cycle normal lorsque l'anticorps est naturellement dégradé dans le cytoplasme (environ 40h après l'injection).

Les résultats présentés dans les exemples 4 et 5 montrent que l'anticorps Mab 1F1 induit l'apoptose dans au moins 50% des cellules tumorales humaines testées dans lesquelles G3BP est surexprimée mais se révèle non toxique lorsqu'il est injecté dans les cellules humaines normales, où G3BP est faiblement exprimée. Cet effet dans les cellules tumorales n'est apparemment pas lié à l'état d'activation des gènes ras. Par ailleurs, l'anticorps Mab 1F1, provoque un arrêt temporaire - ou un retard de la prolifération des cellules normales NHDF, lorsqu'il est injecté dans les cellules quiescentes.

# Exemple 6 - Clonage et expression d'une séquence d'ADN codant pour un anticorps intracellulaire anti -G3BP à partir de l'hybridome G3B 1F1 1D1.

20 Cet exemple décrit le clonage et l'expression d'une séquence d'acides nucléiques codant pour un anticorps intracellulaire reproduisant les propriétés de l'anticorps monoclonal Mab 1F1.

#### 6.1 - Préparation de la séquence d'ADN.

Une séquence d'ADN codant pour un anticorps intracellulaire (fragment ScFv)
25 est préparée selon la technique décrite dans le brevet US 4,946,778. Cette séquence
est ensuite placée sous le contrôle d'un promoteur fonctionnel dans les cellules
mammifère.

Les ARN poly A sont isolés à partir d'une culture cellulaire de l'hybridome G3B 1F1 1D1, selon la technique décrite par Chirguin S.H. et al (Biochemistry 18, 5294 (1979)). Ces ARN sont utilisés pour une réaction de Réverse-Transcription à l'aide de primers murins formés d'hexanucléotides aléatoires. Les ADNc obtenus servent de matrice à deux réactions de PCR

5

15

20

25

- l'une destinée à amplifier le fragment variable de la chaine lourde (VH) avec des primers VH spécifiques,
- une deuxième PCR permettant d'obtenir le fragment VL, en utilisant un mélange de 10 primers dérivés des séquences murines.
- Deux fragments de 340 bp et 325 bp sont ainsi obtenus et assemblés grâce à un linker qui permet un positionnement correct de l'ADNc de VH en 5' de celui de VL. PCR (Recombinant Phage Antibody System Mouse ScFv Module, Pharmacia, 27-9400-01).

La séquence d'acides nucléiques fusionnée VH-linker-VL est ensuite insérée dans un phagemide qui permet l'expression de l'anticorps intracellulaire. Cette expression permet facilement l'identification et la sélection des anticorps intracellulaires qui reconnaissent correctement l'antigène. Cette étape est réalisée en sélectionnant les anticorps capables de reconnaître G3BP en test ELISA (Recombinant Phage Antibody System Expression Module, Pharmacia, 27-9401-01).

#### 6.2 - Evaluation fonctionnelle de l'anticorps intracellulaire modifié.

La séquence qui code pour l'anticorps intracellulaire modifié anti-G3BP est isolée du phagemide par restriction, puis insérée dans le vecteur SV2 (Schweighoffer et al., Science, 256, 825-827 (1992)) ou pCDNA3 (InVitrogen, V790-20). Le plasmide ainsi obtenu est appelé pSV-ScFvG3BP ou pCDNA3ScFvG3BP. L'évaluation fonctionnelle peut être réalisée au moyen des tests décrits ci-dessous.

5

10

15

- a) par microinjection dans les cellules mammifères non immortalisées NHDF et dans des lignées transformées (HCT116, H460, Hke-3, H1299, Hela) en examinant l'apoptose dans les lignées transformées suivant les techniques décrites précédemment et en mesurant l'impact de l'anticorps intracellulaire anticorps sur la viabilité cellulaire par comparaison avec l'activité de l'anticorps Mab 1F1.
- b) par un test de néo-résistance sur les lignées transformées et les cellules normales. Le plasmide pCDNA3G3BP est transfecté dans les lignées transformées (HCT116, Hke-3, H460, H1299, Hela) ainsi que dans des cellules humaines non transformées. Trois jours après transfection, les cellules transformées sont sélectionnées en présence de généticine. Dans ce test, l'anticorps simple chaîne est comparé à des fragments de G3BP (dont les séquences d'acides nucléiques correspondantes sont incluses dans les mêmes vecteurs d'expression) qui inhibent la croissance des cellules tumorales.
- c) par l'inhibition de la formation de foyers. La capacité de l'anticorps simple chaîne à inhiber la formation de foyers est réalisée selon la technique décrite dans WO94/29446. Pour les tests de diminution de la capacité tumorale, l'effet peut également être recherché dans le cas de transformation par d'autres oncogènes que Ras.
- d) en recherchant l'impact de l'expression de ce ScFv sur l'activité de liaison à l'ARN et/ou la coupure endonucléolytique de l'ARN par G3BP1. En effet, l'apoptose induite par microinjection de l'anticorps monoclonal Mab 1F1 peut s'expliquer soit par la dissociation d'une interaction avec un partenaire protéique spécifique, soit par une modification de l'activité de liaison à l'ARN et/ou de clivage endoribonucléolytique. L'anticorps ScFv obtenu peut également être caractérisé par sa capacité à modifier ces interactions.

Exemple 7 : Identification d'un autre domaine de reconnaissance de l'anticorps Mab 1F1 sur la protéine G3BP1. Comparaison de séquences entre les protéines humaines G3BP et G3BP2 (ou G3BPh).

5

20

La protéine G3BP fait partie d'une famille de protéines dans laquelle se trouvent les protéines G3BP2 courte (AF 051311, Genbank) qui présente 60.9% d'identité au niveau nucléotidique, et 58.9% au niveau protéique avec G3BP, et la protéine G3BP2 longue (AB 014560, Genbank). La protéine G2BP2, forme longue, présente une insertion de 99 nucléotides en 790 dans la séquence de G3BP2 (forme courte).

La comparaison des séquences protéiques entre les protéines G3BP et G3BP2 fait apparaître une conservation des principaux domaines de la protéine, à savoir :

- 1 une région N-Terminale (présentant des homologies avec la protéine
   10 NTF2, Nuclear Transport Factor 2), cible de l'anticorps monoclonal Mab1F1,
  - 2 une région acide,
  - 3 une région riche en motifs PXXP impliqués dans les interactions protéinesprotéines,
- 4 une région comportant des domaines RRM de reconnaissance à l'ARN, et des motifs auxilliaires, des boites « RGG »(arginine, glycine, glycine).

De façon remarquable, l'anticorps monoclonal Mab1F1 n'est pas capable de reconnaître la protéine recombinante G3BP2 (forme courte) dans des expériences de Western-blot. La comparaison des séquences N-terminale fait apparaître plusieurs différences mises en évidence par les trémas dans la figure 4.

L'utilisation de peptides recouvrants les différentes régions divergentes a permis de préciser le domaine de reconnaissance de l'anticorps sur la protéine G3BP.

Dans un premier temps, la comparaison des séquences des protéines décrite cidessus a permis de synthétiser différents peptides (A-F):

Peptide A: LLNQAPDMLHRFY

24

acides aminés 22-34 de la protéine G3BP

Peptide B: LLNKAPEYLHRFY

acides aminés 22-34 de la protéine G3BP2

Peptide C: HGGLDSNGKPADAV

5 acides aminés 42-55 de la protéine G3BP

Peptide D: HGGVDASGKPQEAV

acides aminés 42-55 de la protéine G3BP2

Peptide E: LLSNNNQALRRFMQ

acides aminés 97-111 de la protéine G3BP

10 Peptide F: HNDIFRYQDEVFG

20

acides aminés 127-139 de la protéine G3BP

Ces peptides ont ensuite été testés :

- (i) pour leur capacité à reconnaître l'anticorps Mab1F1 dans un test ELISA,
- (ii) pour leur capacité à inhiber la reconnaissance de la protéine G3BP par
   15 l'anticorps Mab1F1 dans des expériences de Western-blot.

#### (i) Test des peptides A-F dans un test ELISA

Les peptides en solution à 10mg/ml dans du tampon carbonate (0.1M, pH 9.6) ont été fixés par adsorption pendant une nuit à 4°C sur des plaques 96 puits. Après un lavage en PBS, les puits ont été saturés pendant 4 heures à température ambiante dans du tampon PBS/BSA 1%. Après trois lavages en PBS/Tween 0.05%, les différents puits ont ensuite été mis en contact avec des dilutions de l'anticorps purifié Mab1F1 dans du PBS/BSA 0.2% (10 ng/ml à 1 pg/ml) pendant 1 heure à

température ambiante. Après trois lavages en tampon PBS/Tween 0.05%, les puits ont été incubés avec une dilution de l'anticorps anti-souris couplé à la péroxydase (dilution 1/1000 dans PBS/BSA 0.2%) (Pharmacia) pendant 1 heure à température ambiante. Après trois lavages en tampon PBS/Tween 0.05%, la réaction colorimétrique a été développée en mélangeant : 10ml d'H<sub>2</sub>0, un comprimé OPD, 100ml de méthanol, et 25 ml d'H<sub>2</sub>O<sub>2</sub>. La réaction a été arrêtée avec 50ml H2SO4 4N, et la lecture spectrophotométrique a été faite à 492nm (filtre de référence 620nm).

5

10

20

25

Les résultats obtenus montrent que le peptide A est le plus réactif dans ce test et se révèle capable de reconnaître l'anticorps Mab1F1 dans un test ELISA. Ces résultats indiquent que l'épitope reconnu par l'anticorps Mab1F1 est situé dans le domaine définit par les acides aminés 22 à 34 de G3BP. Les mêmes expériences réalisées avec l'anticorps 1E1 ont conduit à des résultats identiques.

# (ii) <u>Test des peptides A-F pour leur capacité à inhiber la reconnaissance de la</u> protéine G3BP par l'anticorps Mab1F1 dans des expériences de Western-blot.

La détection des protéines par Western-blot a été réalisée selon la technique décrite dans l'exemple 2 (2.1 : Détection des protéines par Western-blot). Pour les compétitions, l'anticorps a été pré-incubé pendant deux heures à 37°C avec une dilution du peptide avant d'être mis en contact avec la membrane. Pour chaque peptide, deux concentrations ont été testées : excès molaire de 10 et de 100 par rapport à l'anticorps. La révélation a ensuite été faite comme décrit dans l'exemple 2.1.

Les résultats obtenus montrent que les peptides A et C sont capables de déplacer l'interaction entre la protéine G3BP et l'anticorps Mab1F1 (principalement avec un excès molaire 100X).

PCT/FR99/01453

L'ensemble de ces résultats désignent le peptide A (acides aminés 22-34 de G3BP) et le peptide C (acides aminés 42-55 de G3BP) comme correspondant à des domaines de G3BP intervenant dans la reconnaissance avec l'anticorps Mab1F1.

La comparaison de séquence entre G3BP et G3BP2 forme courte a donc permis l'identification de différents peptides et la mise en évidence de leur rôle dans le contrôle de l'apoptose par G3BP, ces résultats permettent d'envisager différentes applications et notamment l'utilisation ces peptides pour de la modélisation moléculaire, afin d'obtenir de petites molécules qui miment les effets de ces peptides ou de polypeptides les incorporant. Par ailleurs, ces peptides peuvent être utilisés pour déplacer une interaction de la protéine G3BP avec un partenaire cellulaire; ce partenaire cellulaire peut être G3BP lui-même puisqu'il a été montré que la protéine est capable de dimériser, ce partenaire peut également être un partenaire connu (RasGAP) ou un partenaire nouvellement identifié. A cet effet, ces peptides couplés à une résine peuvent être utilisés pour la recherche de partenaire cellulaire de G3BP. Enfin, un criblage de molécules d'intérêt thérapeutique peut être établi sur la base de l'inhibition d'une interaction protéine-protéine.

# Exemple 8. Construction de fragments de G3BP1 et activité apoptotique de ces fragments.

20

5

10

15

Au vu des résultats obtenus dans l'exemple 7, des plasmides permettant l'expression de fragments N-terminaux de G3BP ont été construits en vue de tester l'activité apoptotique de ces fragments. Pour cela, les fragments ont été amplifiés par PCR à partir des amorces suivantes :

25

A - oligonucléotide 5' dans G3BP (nucléotide 1)

cccgtcgacatggtgatggagaagcctagtccctg

B - oligonucléotide 5' dans G3BP (nucléotide 42)

cccgggtcgactttgtgagacagtattacaca

C - oligonucléotide 3' dans G3BP (nucléotide 150)

cccgggtgcggccgcctttccatttgaatccaatcc

5

Les fragments (1-150) et (42-150) ont été amplifiés par PCR (30 cycles à 50°C), hydrolysés par les enzymes de restriction Sall et Notl, puis insérés dans le vecteur commercial pCMV / cyto (Invitrogen, pShooter Vector manual II, version C).

Les séquences des fragments obtenus sont décrites ci-dessous : les séquences provenant du vecteur et qui seront traduites sont inscrites en majuscules, les séquences du cDNA G3BP sont indiquées en minuscules. Les régions soulignées correspondent aux séquences du vecteur codant pour le Tag myc).

#### 15 (fragment 1-150)

20

25

Le polypeptide correspondant est présenté ci-dessous. Ce polypeptide comprend le fragment correspondant aux acides aminés 1 à 50 de la protéine G3BP dont la séquence est présentée dans la séquence SEQ ID N°1, ce fragment apparaît ci-dessous en caractère gras.

#### MAQVQLQVMVMEKPSPLLVGREFVRQYYTLLNQAPDMLHRFYGKNSSY VHGGLDSNGKAAA EQKLISEEDLNGAA

(fragment 42-150)

5

5'ATGGCCCAGGTGCAGCTGCAGGTCtttgtgagacagtattacacactgctgaaccagg ccccagacatgctgcatagattttatggaaagaactcttcttatgtccatgggggattggattcaaatggaaagGC GGCCGCAGAACAAAACTCATCTCAGAAGAGGATCTGAATGGGGC CGCATAG 3'

10

Le polypeptide correspondant est présenté ci-dessous. Ce polypeptide comprend le fragment correspondant aux acides aminés 15 à 50 de la protéine G3BP dont la séquence est présentée dans la séquence SEQ ID N°1, ce fragment apparaît ci-dessous en caractère gras.

15

25

#### MAQVQLQVFVRQYYTLLNQAPDMLHRFYGKNSSYVHGGLDSNGKAAAE QKLISEEDLNGAA

Les constructions comportant les fragments 1-150 et 42-150 de la séquence nucléotidique de G3BP ont été transfectées dans des lignées transformées NIH3T3Ras et NIH3T3Raf. Ces lignées ont été obtenues après transformation de cellules NIH3T3 par l'oncogène Ki-RasVall2, ou par la forme virale oncogénique de v-Raf.

Pour la détection de l'apoptose, 2 mg de plasmide ont été transfectés par la lipofectamine (Gibco-BRL), et l'apoptose a été mesurée 48 heures après la transfection par une analyse au FACS. Les cellules en apoptose correspondent aux cellules en phase subG1.

Dans ces conditions, la construction exprimant le fragment 1-150 de la séquence de G3BP (codant pour le fragment de G3BP comprenant les acides aminés 1

à 50) est capable d'induire l'apoptose (facteur 4), alors que la construction exprimant le fragment 42-150 de la séquence de G3BP (codant pour le fragment de G3BP comprenant les acides aminés 15 à 50) ne présente pas cette propriété.

Ces résultats désignent le domaine correspondant aux acides aminés 1 à 14 de 5 G3BP comme un domaine impliqué dans l'induction de l'apoptose. L'identification de ce domaine de G3BP et la mise en évidence du rôle des polypeptides comprenant le domaine correspondant aux acides aminés 1 à 14 de G3BP dans le contrôle de l'apoptose permet d'envisager l'utilisation de ces polypeptides pour la prévention, l'amélioration et/ou le traitement des pathologies impliquant une hyperprolifération cellulaire.

### Exemple 9. Construction de protéines de fusion avec des fragments de huG3BP1.

Des constructions permettant l'expression des peptides identifiés dans l'exemple 7 sont réalisées. Les séquences correspondant aux peptides sont fusionnées à la protéine GST(Glutathion S-transférase) afin de les stabiliser.

Séquences des oligonucléotides :

Chaque oligonucleotide sens est bordé en 5' de 4 nucléotides pour reconstituer un site NcoI, et en 3' d'un codon stop (TAA) et d'un nucléotide pour former un site 20 BamHI.

sq22s:

tatgctgctgaaccaggccccagacatgctgcatagattttattaag

sq22as:

gatccttaataaaatctatgcagcatgtctggggcctggttcagcagca

(séquence 66-105)

30

sq 44gls: tatgggattggattcaaatggaaagccagcagatgcagtctaag

sq44g1as: gatccttagactgcatctgctggctttccatttgaatccaatccca

(séquence 130-166)

5 sq44g2s: tatgggagtagatgctagtggaaagccccaggaagctgtttaag

sq44g2as: gateettaaacagetteetggggettteeactageatetacteeca

(séquence 130-166)

 $sq64s: \\ tatgcagaaagaaatccacaggaaagtgatgtcacaaaacttctaag$ 

(séquence 172-211)

sq65s: tatgaaagtgatgtcacaaaacttcaccaactgctaag

sq65as: gatccttagcagttggtgaagttttgtgacatcactttca

15 (séquence 190-220)

20

Les oligonucleotides sont hybridés par paire par refroidissement de 80°C à température ambiante, phosphorylés par la T4 Polynucléotides Kinase (Boehringer), et insérés dans le vecteur « pBCcol1GSTfusion » aux sites NcoI et BamHI. Ce vecteur permet l'expression dans les cellules eucaryotes d'une protéine de fusion GST à partir du promoteur SV40 (Genbank, X78316). Les plasmides sont alors transfectés

31

dans des lignées tumorales humaines, Hela et H1299 (décrites dans le matériel et méthodes); l'apoptose induite est mesurée au FACS comme décrit dans l'exemple 8.

32

#### LISTE DE SEQUENCES

5	(1) INFORMATION GENERALE:													
10	<ul> <li>(i) DEPOSANT:</li> <li>(A) NOM: RHONE-POULENC RORER S.A.</li> <li>(B) RUE: 20, avenue Raymond ARON</li> <li>(C) VILLE: ANTONY</li> <li>(E) PAYS: FRANCE</li> <li>(F) CODE POSTAL: 92165</li> </ul>													
15	(ii) SH3 DE LA	TITRE DI A PROTEIN		NTION	: PE	PTIE	DE CA	APABI	LE DI	E SE	LIE	R AU	DOM	AINE
	(iii) NOMBRE DE SEQUENCES:2													
20	<pre>(iv) FORME LISIBLE PAR ORDINATEUR:     (A) TYPE DE SUPPORT: Tape     (B) ORDINATEUR: IBM PC compatible     (C) SYSTEME D' EXPLOITATION: PC-DOS/MS-DOS     (D) LOGICIEL: PatentIn Release #1.0, Version #1.25 (OEB)</pre>													
25														
		RMATIONS												
30	<ul> <li>(i) CARACTERISTIQUES DE LA SEQUENCE: <ul> <li>(A) LONGUEUR: 466 acides aminés</li> </ul> </li> <li>(B) TYPE: acide aminé</li> <li>(C) NOMBRE DE BRINS: simple</li> <li>(D) CONFIGURATION: linéaire</li> </ul>													
35		TYPE DE												
		DESCRIPT												
40	Met 1	Val Met	Glu Lys 5	Pro :	Ser	Pro	Leu	Leu 10	Val	Gly	Arg	Glu	Phe 15	Val
	Arg	Gln Tyr	Tyr Thr 20	Leu :	Leu .	Asn	Gln 25	Ala	Pro	Asp	Met	Leu 30	His	Arg
45	Phe	Tyr Gly	Lys Asn	Ser		Tyr 40	Val	His	Gly	Gly	Leu 45	Asp	Ser	Asn
	Gly	Lys Pro 50	Ala Asp		Val 55	Tyr	Gly	Gln	Lys	Glu 60	Ile	His	Arg	Lys
50	Val 65	Met Ser	Gln Asn	Phe 70	Thr	Asn	Cys	His	Thr 75	Lys	Ile	Arg	His	Val 80
55	Asp	Ala His	Ala Thr 85	Leu	Asn	Asp	Gly	Val 90	Val	Val	Gln	Val	Met 95	Gly
	Leu	Leu Ser	Asn Asn 100	Asn	Gln	Ala	Leu 105	Arg	Arg	Phe	Met	Gln 110	Thr	Phe
60	Val	Leu Ala	Pro Glu	Gly	Ser	Val	Ala	Asn	Lys	Phe	Tyr	Val	His	Asn

			115	•				120	)				125	i		
5	Asp	11e	Arg	туг	Gln	Asp	Glu 135		. Phe	e Gly	Gly	Phe 140		Thr	Glu	Pro
,	Gln 145	Glu	Glu	Ser	Glu	Glu 150		Val	. Glu	Glu	Pro 155		Glu	Arç	g Gln	Glr 160
10	Thr	Pro	Glu	. Val	Val 165		Asp	Asp	Ser	Gly 170		Phe	туг	Asp	Gln 175	
	Val	Val	Ser	Asn 180	Asp	Met	Glu	Glu	His 185		Glu	Glu	Pro	Val 190		Glu
.15	Pro	-Glu	Pro 195	Asp	Pro	Glu	Pro	Glu 200		Glu	Gln	Glu	Pro 205		Ser	Glu
20	Ile	Gln 210	Glu	Glu	Lys	Pro	Glu 215		Val	Leu	Glu	Glu 220		Ala	Pro	Glu
20	Asp 225	Ala	Gln	Lys	Ser	Ser 230	Ser	Pro	Ala	Pro	Ala 235	Asp	Ile	Ala	Gln	Thr 240
25	Val	Gln	Glu	Asp	Leu 245	Arg	Thr	Phe	Ser	Trp 250	Ala	Ser	Val	Thr	Ser 255	Lys
	Asn	Leu	Pro	Pro 260	Ser	Gly	Ala	Val	Pro 265	Val	Thr	Gly	Ile	Pro 270	Pro	His
30	Val	Val	Lys 275	Val	Pro	Ala	Ser	Gln 280	Pro	Arg	Pro	Glu	Ser 285	Lys	Pro	Glu
35	Ser	Gln 290	Ile	Pro	Pro	Gln	Arg 295	Pro	Gln	Arg	Asp	Gln 300	Arg	Val	Arg	Glu
	Gln 305	Arg	Ile	Asn	Ile	Pro 310	Pro	Gln	Arg	Gly	Pro 315	Arg	Pro	Ile	Arg	Glu 320
40	Ala	Gly	Glu	Gln	Gly 325	Asp	Ile	Glu	Pro	Arg 330	Arg	Met	Val	Arg	His 335	Pro
	Asp	Ser	His	Gln 340	Leu	Phe	Ile	Gly	Asn 345	Leu	Pro	His	Glu	Val 350	Asp	Lys
45	Ser	Glu	Leu 355	Lys	Asp	Phe	Phe	Gln 360	Ser	Tyr	Gly	Asn	Val 365	Val	Glu	Leu
50	Arg	Ile 370	Asn	Ser	Gly	Gly	Lys 375	Leu	Pro	Asn	Phe	Gly 380	Phe	Val	Val	Phe
	Asp 385	Asp	Ser	Glu	Pro	Va1 390	Gln	Lys	Val	Leu	Ser 395	Asn	Arg	Pro	Ile	Met 400
55	Phe	Arg	Gly	Glu	Val 405	Arg	Leu	Asn	Val	Glu 410	Glu	Lys	Lys	Thr	Arg 415	Ala
	Ala	Arg	Glu	Gly 420	Asp	Arg	Arg	Asp	Asn 425	Arg	Leu	Arg	Gly	Pro 430	Gly	Gly
60	Pro	Arg	Gly 435	Gly	Leu	Gly	Gly	Gly 440	Met	Arg	Gly	Pro	Pro 445	Arg	Gly	Gly
	Met	Val 450	Gln	Lys	Pro	Gly	Phe 455	Gly	Val	Gly		Gly 460	Leu	Ala	Pro	Arg

PCT/FR99/01453 WO 99/65947

34

Gln Glx 465

5

10

(2) INFORMATIONS POUR LA SEQ ID NO: 2 :

(i) CARACTERISTIQUES DE LA SEQUENCE:
(A) LONGUEUR: 2129 paires de bases

(B) TYPE: nucléotide

(C) NOMBRE DE BRINS: simple

(D) CONFIGURATION: linéaire

(ii) TYPE DE MOLECULE: ADNC

(iii) HYPOTHETIQUE: NON

20

15

(xi) DESCRIPTION DE LA SEQUENCE: SEQ ID NO: 2:

	GCTTGCCTGT	CAGGTCGACT	CTAGAGCCCG	GGTACCGAGC	TCGAATTCGG	CGGGGTTTGT	60
25	ACTATCCTCG	GTGCTGTGGT	GCAGAGCTAG	TTCCTCTCCA	GCTCAGCCGC	GTAGGTTTGG	120
	ACATATTTAC	TCTTTTCCCC	CCAGGTTGAA	TTGACCAAAG	CAATGGTGAT	GGAGAAGCCT	180
30	AGTCCCCTGC	TGGTCGGGCG	GGAATTTGTG	AGACAGTATT	ACACACTGCT	GAACCAGGCC	240
00	CCAGACATGC	TGCATAGATT	TTATGGAAAG	AACTCTTCTT	ATGTCCATGG	GGGATTGGAT	300
	TCAAATGGAA	AGCCAGCAGA	TGCAGTCTAC	GGACAGAAAG	AAATCCACAG	GAAAGTGATG	360
35	TCACAAAACT	TCACCAACTG	CCACACCAAG	ATTCGCCATG	TTGATGCTCA	TGCCACGCTA	420
	AATGATGGTG	TGGTAGTCCA	GGTGATGGGG	CTTCTCTCTA	ACAACAACCA	GGCTTTGAGG	480
40	AGATTCATGC	AAACGTTTGT	CCTTGCTCCT	GAGGGGTCTG	TTGCAAATAA	ATTCTATGTT	540
70	CACAATGATA	TCTTCAGATA	CCAAGATGAG	GTCTTTGGTG	GGTTTGTCAC	TGAGCCTCAG	600
	GAGGAGTCTG	AAGAAGAAGT	AGAGGAACCT	GAAGAAAGCA	GCAAACACCT	GAGGTGGTAC	660
45	CTGATGATTC	TGGAACTTTC	TATGATCAGG	CAGTTGTCAG	TAATGACATG	GAAGAACATT	720
	TAGAGGAGCC	TGTTGCTGAA	CCAGAGCCTG	ATCCTGAACC	AGAACCAGAA	CAAGAACCTG	780
50	TATCTGAAAT	CCAAGAGGAA	AAGCCTGAGC	CAGTATTAGA	AGAAACTGCC	CCTGAGGATG	840
00	CTCAGAAGAG	TTCTTCTCCA	GCACCTGCAG	ACATAGCTCA	GACAGTACAG	GAAGACTTGA	900
	GGACATTTTC	TTGGGCATCT	GTGACCAGTA	AGAATCTTCC	ACCCAGTGGA	GCTGTTCCAG	960
55	TTACTGGGAT	ACCACCTCAT	GTTGTTAAAG	TACCAGCTTC	ACAGCCCCGT	CCAGAGTCTA	1020
	AGCCTGAATC	TCAGATTCCA	CCACAAAGAC	CTCAGCGGGA	TCAAAGAGTG	CGAGAACAAC	1080
60	GAATAAATAT	TCCTCCCCAA	AGGGGACCCA	GACCAATCCG	TGAGGCTGGT	GAGCAAGGTG	1140
30	ACATTGAACC	CCGAAGAATG	GTGAGACACC	CTGACAGTCA	CCAACTCTTC	ATTGGCAACC	1200
	TGCCTCATGA	AGTGGACAAA	TCAGAGCTTA	AAGATTTCTT	TCAAAGTTAT	GGAAACGTGG	1260

	TGGAGTTGCG	CATTAACAGT	GGTGGGAAAT	TACCCAATTT	TGGTTTTGTT	GTGTTTGATG	1320
	ATTCTGAGCC	TGTTCAGAAA	GTCCTTAGCA	ACAGGCCCAT	CATGTTCAGA	GGTGAGGTCC	1380
5	GTCTGAATGT	CGAAGAGAAG	AAGACTCGAG	CTGCCAGGGA	AGGCGACCGA	CGAGATAATC	1440
	GCCTTCGGGG	ACCTGGAGGC	CCTCGAGGTG	GGCTGGGTGG	TGGAATGAGA	GGCCCTCCCC	1500
10	GTGGAGGCAT	GGTGCAGAAA	CCAGGATTTG	GAGTGGGAAG	GGGGCTTGCG	CCACGGCAGT	1560
	AATCTTCATG	GATCTTCATG	CAGCCATACA	AACCCTGGTT	CCAACAGAAT	GGTGAATTTT	1620
	CGACAGCCTT	TGGTATCTTG	GAGTATGACC	CCAGTCTGTT	ATAAACTGCT	TAAGTTTGTA	1680
15	TAATTTTACT	TTTTTTGTGT	GTTAATGGTG	TGTGCTCCCT	CTCCCTCTCT	TCCCTTTCCT	1740
	GACCTTTAGT	CTTTCACTTC	CAATTTTGTG	GAATGATATT	TTAGGAATAA	CGGACTTTTA	1800
20	CCCGAATTCG	TAATCATGGT	CATAGCTGTT	TCCGTGTGAA	ATTGTTATCC	GCTCACAATT	1860
	CCACACAACA	TACGAGCCGG	AAGCATAAAG	TGTAAAGCCT	GGGGTGCCTA	ATGAGTGAGC	1920
	TAACTCACAT	TAATTGCGTT	GCGCTCACTG	CCCGCTTTCC	AGTCGGGAAA	CCTGTCGTGC	1980
25	CAGCGCATTA	ATGAATCGGC	CAACGCGCGG	GGAGAGGCGG	TTTGCGTATT	GGGCGCCAGG	2040
	GTGGTTTTCT	TTTCACCAGT	GAGACGGGCA	ACAGCTGATT	GCCCTTCACC	GCTGGCCCTG	2100
	AGAGAGTTGC	AGCAAGCGGT	CCACGCTGG				2129
30							

#### REVENDICATIONS

- 1. Anticorps monoclonal dirigé contre la protéine G3BP et capable d'induire l'apoptose dans différents types de cellules tumorales.
- 2. Anticorps monoclonal capable de reconnaître un épitope compris entre les
  acides aminés situés aux positions 1 et 144 de la protéine G3BP.
  - 3. Anticorps monoclonal selon la revendication 1 ou 2, capable de reconnaître un épitope compris entre les acides aminés situés aux positions 1 à 72 de la protéine G3BP, de préférence un épitope compris entre les acides aminés situés aux positions 22 à 55 de la protéine G3BP, et de préférence encore un épitope constitué par les acides aminés situés aux positions 22 à 34.
  - 4. Anticorps selon les revendications 1 à 3 caractérisé en ce qu'il s'agit de l'anticorps Mab 1F1, sécrété par la lignée d'hybridome G3B 1F1 1D1 déposée le 9 juin 1998 auprès de la C.N.C.M. sous le numéro I-2038.
- 5. Utilisation d'un anticorps selon l'une des revendications 1 à 4 pour 15 l'obtention d'un médicament.

- 6. Utilisation d'un anticorps selon l'une des revendication 1 à 4 pour l'obtention d'un médicament destiné au traitement ou à la prévention des désordres hyperprolifératifs.
- 7. Composition pharmaceutique comprenant une quantité thérapeutiquement efficace des anticorps monoclonaux selon l'une des revendications 1 à 4, éventuellement mélangés à un support pharmaceutiquement acceptable, ladite quantité étant thérapeutiquement efficace pour induire l'apopotose dans des cellules tumorales.
- 8. Lignée d'hybridome susceptible de sécréter des anticorps monoclonaux 25 selon l'une des revendications 1 à 4.

37

- 9. Lignée d'hybridome G3B 1F1 1D1 déposée le 9 juin 1998 auprès de la C.N.C.M. sous le numéro de dépôt I- 2038.
- 10. Procédé de production d'anticorps monoclonaux capables d'induire l'apoptose dans différentes lignées tumorales caractérisé en ce qu'il comprend (1) la fusion de cellules spléniques d'un animal immunisé à l'aide de la protéine G3BP ou d'un fragment comprenant au moins une partie du domaine N-terminal (aa 1-144), avec des cellules myelomateuses dans des conditions permettant la formation d'hybridomes; (2), la détection et l'isolement de ceux desdits hybridomes qui sécrètent des anticorps monoclonaux capables d'induire l'apoptose dans différentes lignées tumorales.
- 11. Utilisation d'un anticorps selon l'une des revendications 1 à 4, comme réactif de diagnostique.
- 12. Kit de diagnostic caractérisé en ce qu'il comprend un anticorps selon l'une des revendications 1 à 4.

5

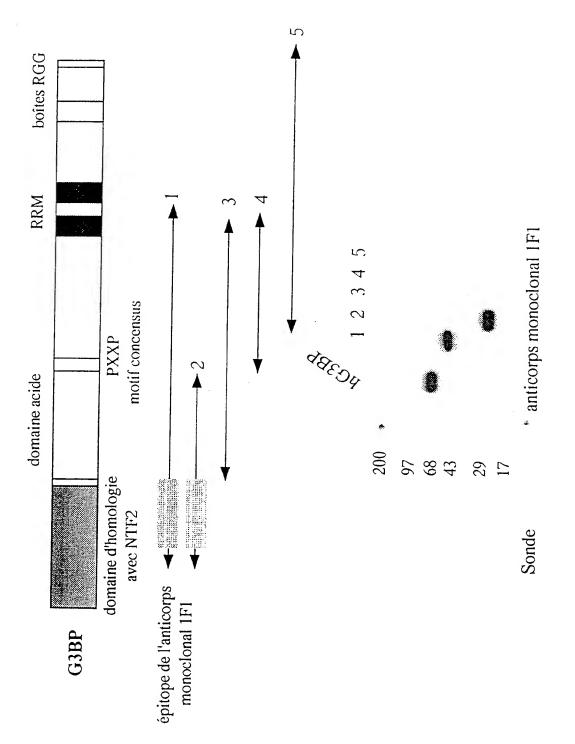
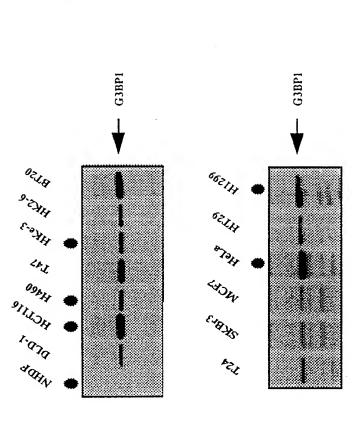


Figure 1

lignées testées en induction d'apoptose après injection de l'anticorps 1F1

# NIVEAU D'EXPRESSION DE G3BP1 DANS DIFFERENTES LIGNEES

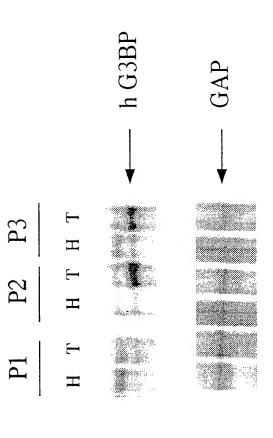
# CELLULAIRES HUMAINES.



Western blot: anti-G3BP MAb 1F1

Figure 2(a)

# DANS LES TUMEURS COLORECTALES HUMAINES SUREXPRESSION DE G3BP



P1: Polype

P2: Adénome moyennement différenciéModerately Differentiated Adenocarcinoma

P3: Adénome bien différencié

Figure 2(b)

# EFFET DE L'INJECTION DU MAB 1F1 SUR LA VIABILITE DES CELLULES HCT116

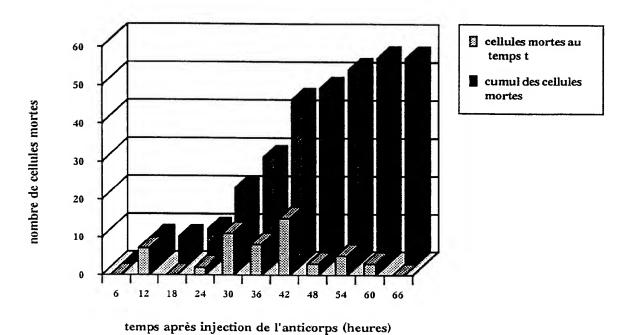


Figure 3

	10	20	30	40	50
G3BP	MVMEKPSPLLVG	REFVRQYYTL	LNQAPDMLHI	RFYGKNSSYVH	GGLDSNGKPADAV
			: ::	:	: :: ::
G3BP2	MVMEKPSPLLVG	REFVRQYYTL	LN KAPEYLHI	RFYGRNSSYVH	GGVDASGKPQEAV
	10	20	30	40	50
	60	70	80	90 1	00 110
G3BP	YGQ KEIHRKVM	SQNFTNCHTK	IRHVDAHATLI	NDGVVVQV <b>M</b> GL	LSNNNQALRRFMQ
	:: : :	: ::		:	:: ::
G3BP2	YGQNDIH HKVL	SLNFSECHTK	RHVDAHATLS	SDGVVV QVMGL	LSNSGQPERKFMQ
	60	70	80	90	100 110
	120	130	140		
G3BP	TFVLAPEGSVAN	KFYVHND I FF	RYQDEVFGGF	VT	
	:	:	: :		
G3BP2	TFVLAPEGSVPN	KFYVHNDMFF	RYEDEVFGDS	EP	
	120	130	140		

FIGURE 4